1/9



## (SEQ ID NO: 2)

This is Alfin cDNA sequence of the clone as submitted to GenBank #L07291

GAATTCCCTT/GACTTTTGTTGAAATTGAGGATGGAAGGAATGGCACAGCACCCA GTACCTCGAACTGTTGAAGAAGTTTTTAGCGATTACAAAGGCAGACGCGCCGGT TTGATCAAAGCTCTCACTACTGACGTTGAAAAGTTTTACCAGCTCGTCGATCCC GAAAAGGAGAATTTGTGCCTCTATGGGTTTCCAAATGAAACATGGGAAGTGAAC TTGCCTGTTGAGGAAGTGCCTCCTGAACTTCCCGAGCCAGCATTGGGTATAAA CTTTGCTCGGGATGGAATGCAGGAGAAGGACTGGTTATCACTGGTTGCAGTTC ACAGTGACTCATGGCTGCTCGCTGTTGCTTTCTATTTTGGTGCCCGCTTTGG ATTTGGTAAGAATGATAGGAAAAGGCTTTTTCAGATGATAAATGA TCTGCCCACAGTCTTTGAGCTTGCAACAGGAACTGCTAAGCAATCAAAGGAC CAACTGACTGCTCACAACAATGGTAGCAATAGCAAATACAAATCAAGTGGAAAGT CCCGCCAGTCTGAATCCCAGACCAAGGGTGTGAAGATGTCTGCACCGGTCAAAG AAGAGGTTGACAGTGGAGAAGAAGAGGAAGAAGATGATGAACAAGGTGCAAC CTGTGGTGCTTGTGGTGATAATTATGGCACCGATGAATTCTGGATCTGTTGT GATATGTGCGAGAAATGGTTCCATGGTAAATGTGTTAAAATTACTCCTGCCAAG GCTGAACACATCAAGCAATACAAGTGCCCTGGCTGCAGTATCAAGAAGCCAAGAA GCATTTCTGTAAGTGAAACCATTGTTGTCTGCATAGTCACTTAAAGGGAATTCC

ATATTTATTACGTTGATGGTAAAAAAATAAATATATTTGTTACCATTTAAAAGTCATAA1381 GGTGCCATTCACGATTCTTCTTGGTGCAGCTTGGAGAACCCTATCCTGGGCTTGGAAGAT-1261 TTACTTCTTGTTGATGCTTCTAGAGTACAGCTCCTTAAGGCTGTAGTCTTGTTTTTTT-1201 TCATCCTTCCTACCAAAAAAAAAAAGTCATAAATATAGTTTATACATATAACTTTAATA1141 ATAATTTACATGCCGTTACGGTAAAAAATGGATAAATTGGGTATGGAGTACTAGTAATTA1021 ATAAGGTTCATTGGTTAAAAAACTAAAAAATAATTTCTCTCCTGATTTATATGAAATGA 961 CATTTTTTGGAACATGAAGGGTATTGATTTTTACCACCTTTTACACCTTTCAAAGCCAT-901 TCAAGGATGAATATAGATTTTTGGGCGATCAAACACAAGAATCATTACGATAACATGCTT- 841 TGGAA<u>CACACATG</u>CTTAAATTAATG<u>GTTGGA</u>GTATCAAATTTTAAAATATTGTTGTCA 781 Alfin1\*/myc myb\* ATACATACCCCGTCAATCTTCTTTTTTTACCCAATAAACATTGAAATGTTGCTTCTTC 721 Alfin1\*? GTTAAGCATAAAAACATCAAAGTCTAGCAAAATGTTGTTTTTGCGATGACACATTTCATA 661 TAGTTTAAAGGATGCATGATTCGATTACAAAAACAAAATACTAATAATTCTAGCACAAAG 601 TTTAAAGCAAGATTATAAAGCTTCATAG<u>CATGTG</u>GATATTCATTTAGAAATATAGATTAG 541 ATTGCCCCTTTCATCACGGGTCTAACAGCACCACTTCTCACACATGTCAAAAATGTCCT-481 myb/Alfin1\*/myc Alfin1\* Alfin1\* GACTCATATTGATCAAATTTGGCTATGAATTCAAACAAAAAATTCACTCTACCCATTGCA 301 mvc\ Alfin1 THI CTGCAATACGGTCCGTGAATGTGATCACTCACGAGAAAGAGGTATCAAAATTTCAAGGTA 121 TTTTATTTATTTTAACAAATAAAATTTCAAGGTCTTGTTCACCATATAAACCTCCTCAC 61 ATCCTAACTATCCTCTACCCAATCTTTTCATCCTTCTCTTGAACTTGAGTACCTTACTC+ 60 Met